

# INTERDISZIPLINÄRE HÄMATOLOGISCHE DIAGNOSTIK



**BIOSCIENTIA**  
MEDIZIN. LABOR. SERVICE.

Bioscientia Institut für Medizinische Diagnostik GmbH | Konrad-Adenauer-Straße 17 | D-55218 Ingelheim | Tel. 06132 781-0 | Fax 06132 781-214 | service@bioscientia.de | www.bioscientia.de

|                                |                  |        |
|--------------------------------|------------------|--------|
| Krankenkasse bzw. Kostenträger |                  |        |
| Name, Vorname des Versicherten |                  |        |
| geb. am                        |                  |        |
| Kassen-Nr.                     | Versicherten-Nr. | Status |
| Betriebsstätten-Nr.            | Arzt-Nr.         | Datum  |

|                              |
|------------------------------|
| Arztstempel und Unterschrift |
|------------------------------|

|         |
|---------|
| Barcode |
|---------|

| PROBENMATERIAL (TRANSPORT BEI RAUMTEMPERATUR, KEIN POSTVERSAND) |                         |             |
|---|-------------------------|-------------|
| <input type="checkbox"/> Blut                                   | Probengefäße (Anzahl)   | □ □         |
| <input type="checkbox"/> Knochenmark                            | Tag der Probennahme     | □ □ □ □ □ □ |
|   | Uhrzeit der Probennahme | □ □ □ □     |

| GESCHLECHT                        |
|-----------------------------------|
| <input type="checkbox"/> weiblich |
| <input type="checkbox"/> männlich |

| ABRECHNUNGSART                                    |
|---|
| <input type="checkbox"/> Kasse (Schein Muster 10) |
| <input type="checkbox"/> Privat                   |
| <input type="checkbox"/> stationär                |
| <input type="checkbox"/> §116b / ASV              |

| ANALYSE  | VOLUMEN  | ANTIKOAGULATION |
|--|----------|-----------------|
| <input type="checkbox"/> Immunphänotypisierung mit Zytologie       | 2 ml     | EDTA            |
| <input type="checkbox"/> Fluoreszenz in-situ Hybridisierung (FISH) | 2–3 ml   | Heparin         |
| <input type="checkbox"/> Chromosomenanalyse                        | 5–7 ml   | Heparin         |
| <input type="checkbox"/> Molekulargenetik                          | 2 x 4 ml | EDTA            |

| DIAGNOSE   |                                |                                      |
|--|--------------------------------|--------------------------------------|
| <input type="checkbox"/> Non-Hodgkin-Lymphom     | <input type="checkbox"/> B-NHL | <input type="checkbox"/> T-NHL       |
| <input type="checkbox"/> MGUS / Multiples Myelom | <input type="checkbox"/> PNH   |                                      |
| <input type="checkbox"/> Akute Leukämie (AML)    | <input type="checkbox"/> B-ALL | <input type="checkbox"/> T-ALL       |
| <input type="checkbox"/> CML                     | <input type="checkbox"/> MPN   | <input type="checkbox"/> Mastozytose |

| VERLAUF                                       |                                  |
|---|----------------------------------|
| ICD-10-Code:                                  | □ □ □ □ □ □                      |
| Erstdiagnose (ED) wann:                       | □ □ □ □                          |
| <input type="checkbox"/> Verlaufsuntersuchung | <input type="checkbox"/> Rezidiv |

| KLINISCHE DATEN / FRAGESTELLUNG / THERAPIE |
|--|
|  |

## Einverständnis des Patienten / der Patientin / des gesetzlichen Vertreters

Mit meiner Unterschrift bestätige ich mein Einverständnis mit den Untersuchungen entsprechend der o.g. Anforderung. Über die Bedeutung und mögliche Konsequenzen der geplanten Untersuchungen wurde ich von meinem behandelnden Arzt aufgeklärt. Im Falle einer genetischen Analyse können u.a. angeborene genetische Veränderungen der Keimbahn detektiert werden, die für mich selbst und/oder für meine Nachkommen krankheitsrelevant sein könnten.

Ich bin damit einverstanden, dass

- die erhobenen Daten nicht entsprechend der gesetzlichen Vorgaben nach 10 Jahren vernichtet werden.  ja
- die erhobenen Daten nicht personenbezogen für wissenschaftliche und qualitätssichernde Zwecke aufbewahrt und genutzt werden.  ja
- nach Abschluss der Analyse verbleibendes Probenmaterial und daraus gewonnene Extrakte hiermit dem Labor übereignet werden, das die Analyse durchgeführt hat und ich gestatte die Verwendung für wissenschaftliche und qualitätssichernde Zwecke in pseudonymisierter Form.  ja

Mir ist bekannt, dass ich die Einwilligungen jederzeit ohne Angabe von Gründen und ohne persönliche Nachteile mündlich oder schriftlich widerrufen kann.

Ort, Datum Unterschrift des/r Patienten/in bzw. des (gesetzlichen) Vertreters

Eine Einwilligungserklärung mit Zustimmung zu den obengenannten Unterpunkten liegt mir vor.

Ort, Datum Unterschrift des/r behandelnden Arztes/Ärztin

# ZUSATZBOGEN FLUORESCENZ IN-SITU HYBRIDISIERUNG (FISH)

## HÄMATOLOGISCHE DIAGNOSTIK



**BIOSCIENTIA**  
MEDIZIN. LABOR. SERVICE.

Name, Vorname der/des Patientin/en: \_\_\_\_\_

\_\_\_\_\_ Geburtsdatum: \_\_\_\_\_

Name der verantwortlichen ärztlichen Person: \_\_\_\_\_

Unterschrift: \_\_\_\_\_ Ort, Datum: \_\_\_\_\_

Arztstempel

Bitte wählen Sie die für Ihren Patienten gewünschten Sonden/Sondenkombinationen aus.

### Akute Myeloische Leukämie [AML]

- BCR/ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- CBF $\beta$ /MYH11 inv(16)(p13q22)/t(16q22)
- D7S522 mit Kontrolle D7Z1 (7q Deletion/Monosomie 7)
- D20S108 (Deletion 20q12) und D8Z2 (Trisomie 8)
- EGR1 (5q31), RPS14 (5q33) mit Kontrolle in 5p15 (5q Deletion/Monosomie 5)
- KMT2A(MLL) t(11q23)
- PML/RARA t(15;17)(q24.1;q21.1)
- RPN1/MECOM t(3;3)(q21.3;q26.2)/inv(3)(q26.2)
- RUNX1T1/RUNX1 t(8;21)(q22;q22)
- TET2 (Deletion 4q24) mit Kontrolle 4q12
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p/11q)
- Trisomie 8 (D8Z2)
- Trisomie 11 (D11Z1)
- Trisomie 21 (RUNX1: 21q22)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Chronisch Myeloische Leukämie [CML]

- BCR/ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- TP53 (17p13.1) in Kombination mit ATM (11q22.3) (Deletion 17p/i(17q))
- Trisomie 8 (D8Z2)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Myelodysplastisches Syndrom [MDS]

- Komplettes Panel (Deletion 5q/Monosomie 5, Del 7q31/Monosomie 7, Trisomie 8, Deletion 12p, Deletion 17p/i(17q), Deletion 20q12, Trisomie 21, -Y)
- CKS1B(1q21)/CDKN2C(1p32.2) (Trisomie 1 bzw. 1q)
- ETV6/RUNX1 (Deletion 12p; Deletion 21q22/Trisomie 21)
- D7S486 (7q31) mit Kontrolle D7Z1 (Deletion 7q/Monosomie 7)
- D20S108 (Deletion 20q12) und D8Z2 (Trisomie 8)
- EGR1 (5q31), RPS14 (5q33) mit Kontrolle in 5p15 (Deletion 5q/Monosomie 5)
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p/i(17q), Deletion 11q)

- Trisomie 8 (D8Z2)
- TET2 (Deletion 4q24) mit Kontrolle 4q12
- Verlust Y-Chromosom (DYZ3)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Myeloproliferative Neoplasien [MPN] / Chronisch Myelomonozytäre Leukämie [CMML] / Chronische Eosinophileukämie [CEL] / Hypereosinophiles Syndrom [HES]

- BCR/ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- CKS1B(1q21)/CDKN2C(1p32.2) (Trisomie 1 bzw. 1q)
- ETV6/RUNX1 (Deletion 12p/ETV6-Rearrangement)
- D7S486 (7q31) mit Kontrolle D7Z1 (Deletion 7q/Monosomie 7)
- D20S108 (Deletion 20q12) und D8Z2 (Trisomie 8)
- FGFR1 t(8p11)
- PDGFRA/CHIC2/FIP1L1 (Deletion 4q12, FIP1L1-/PDGFR-Rearrangement)
- PDGFRB t(5q32)
- TET2 (Deletion 4q24)
- Trisomie 8 (D8Z2)
- Trisomie 9 (D9Z3)
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p/i(17q), Deletion 11q)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Chronisch Lymphatische Leukämie [B-CLL], Lymphoplasmazytisches NHL, Immunozytom [M. Waldenström]

- Komplettes B-CLL Panel (Deletion 6q23, Deletion 11q22, Trisomie 12, Deletion 13q14, Deletion 13q34, IGH-Rearrangement t(14q32), Deletion 17p13)
- ATM (11q22) und TP53 (17p13) (Deletion 11q, Deletion 17p)
- BCL3 t(19q13)
- BCL6 t(3q27)/Zugewinne 3q
- CCND1/IGH t(11;14)(q13;q32)
- IGH/BCL2 t(14;18)(q32;q21)/Trisomie 18
- MYB (6q23) mit Kontrollen 6q21 (SEC63) und D6Z1

- MYC t(8q24)/Zugewinne 8q24
- Zentromer 12, DLEU (13q14), LAMP1 (13q34) (Trisomie 12, Deletion 13q14, Deletion 13q)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Non-Hodgkin-Lymphome (NHL) B-Zell-Lymphome

- Komplettes Panel (Deletion 6q23, Deletion 11q22, Trisomie 12, Deletion 13q14, Deletion 13q34, IGH-Rearrangement t(14q32), Deletion 17p13)
- ALK t(2p23) bei ALK+ DLBCL
- ATM (11q22) und TP53 (17p13) (Deletion 11q, Deletion 17p)
- BCL3 t(19q13)
- BCL6 t(3q27)/Zugewinne 3q
- CCND1/IGH t(11;14)(q13;q32)
- CCND3/IGH t(6;14)(p21;q32)
- CDKN2A (p16, 9p21) mit Kontrolle CEP9 (Deletion 9p)
- IGH t(14q32)
- IGH/BCL2 t(14;18)(q32;q21)/Zugewinn 18q
- MALT1 t(18q21)
- MYB (6q23) mit Kontrollen 6q21 (SEC63) und D6Z1
- MYC t(8q24)/Zugewinne 8q24
- MYC/IGH t(8;14)(q24;q32)
- Zentromer 12, DLEU (13q14), LAMP1 (13q34) (Trisomie 12, Deletion 13q14, Deletion 13q)
- Andere: \_\_\_\_\_

### T-Zell-Lymphome (T-NHL)

- ALK t(2p23)
- ATM (11q22.3) and TP53 (17p13.1) (Deletion 11q, Deletion 17p)
- ETV6/RUNX1 (Deletion 12p)
- MYC t(8q24)/Zugewinne 8q24
- PDGFRA/CHIC2/FIP1L1 (Deletion 4q12, FIP1L1-/PDGFR-Rearrangement)
- TCR  $\alpha/\delta$  t(14q11)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Plasmozytom / Multiples Myelom / MGUS

vor der FISH-Analyse wird eine magnetische Anreicherung („Magnetic Activated Cell Sorting“ MACS) von CD138+ Plasmazellen durchgeführt; bitte hierfür 3 ml Knochenmark zusätzlich entnehmen.

- Komplettes Panel (Deletion 1p32.3, Amplifikation 1q21, Deletion/ Zugewinne 11q22, Trisomie 12, Deletion 13q14, Deletion 13q34, Monosomie 13, IGH-Rearrangement t(14q32), Deletion 17p13)
- Aneuploidien der Chromosomen: 5 (5p15), 9 (9q22), 15 (15q22)
- ATM (11q22) und TP53 (17p13) (Deletion/Zugewinn 11q, Deletion 17p)
- CKS1B (1q21)/CDKN2C (1p32.2) (Deletion 1p/Amplifikation 1q)
- CCND1/IGH t(11;14)(q13;q32)
- CCND3/IGH t(6;14)(p21;q32)
- FGFR3/IGH t(4;14)(p16;q32)
- IGH t(14q32)
- IGH/MAFA t(14;16)(q32;q23)
- IGH/MAFB t(14;20)(q32;q12)
- MYC/IGH t(8;14)(q24;q32)
- Zentromer 12, DLEU (13q14), LAMP1 (13q34)

(Deletion 13q/Monosomie 13)

- Andere: \_\_\_\_\_

### Akute Lymphatische Leukämie / B-Zell Akute Lymphatische Leukämie [B-ALL]

- Aneuploidien der Chromosomen 4 (D4Z1), 10 (D10Z1), 17 (D17Z1), 21 (RUNX1)
- BCR/ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- CDKN2A (p16, 9p21) mit Kontrolle CEP9 (Deletion 9p)
- E2A(TCF3) t(19p13.3)
- ETV6/RUNX1 t(12;21)(p13;q22)
- ETV6/RUNX1 (Deletion 12p/Amplifikation RUNX1)
- IGH t(14q32)
- KMT2A(MLL) t(11q23)
- KMT2A(MLL)/AFF1(AF4) t(4;11)(q21.3-q22.1;q23.3)
- KMT2A(MLL)/MLLT1(ENL) t(11;19)(q23.3;p13.3)
- KMT2A(MLL)/MLLT3(AF9) t(9;11)(p21.3;q23.3)
- KMT2A(MLL)/MLLT4(AF6) t(6;11)(q27;q23.3)
- MYB (6q23) mit Kontrollen 6q21 (SEC63) und D6Z1
- MYC t(8q24)
- MYC/IGH t(8;14)(q24;q32)
- TCF3/PBX1 t(1;19)(q23;p13.3)
- Andere: \_\_\_\_\_

### T-Zell Akute Lymphatische Leukämie [T-ALL]

- CDKN2A (p16, 9p21) mit Kontrolle CEP9 (Deletion 9p)
- MYB (6q23) mit Kontrollen 6q21 (SEC63) und D6Z1
- TCR  $\alpha/\delta$  t(14q11)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Schwere Aplastische Anämie [AA]

- D7S486 (7q31) mit Kontrolle D7Z1 (7q Deletion/Monosomie 7)
- DLEU (13q14), (13q14) mit Kontrolle LAMP1 (13q34) (Deletion 13q14.3)
- MYB (6q23) mit Kontrolle D6Z1 (Trisomie 6)
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p)
- Trisomie 8 (D8Z2)
- Trisomie 21 (RUNX1: 21q22)
- Andere: \_\_\_\_\_

### Chromosom X- und Y-spezifische FISH nach geschlechtsdifferenter Transplantation:

- Andere: \_\_\_\_\_
- \_\_\_\_\_
- \_\_\_\_\_
- \_\_\_\_\_