



Name, Vorname der/des Patientin/en: _____

_____ Geburtsdatum: _____

Name der verantwortlichen ärztlichen Person: _____

Unterschrift: _____ Ort, Datum: _____

Arztstempel

Fluoreszenz in-situ Hybridisierung (FISH) Hämatologische Diagnostik | Zusatzbogen

Klinische Daten

Probenmaterial (Versendung am Tag der Probennahme bei RT)

<input type="checkbox"/> Peripheres Blut (PB)	Anzahl Probengefäße	<input type="text" value=""/>
<input type="checkbox"/> Knochenmark (KM)	Anzahl Objektträger	<input type="text" value=""/>
<input type="checkbox"/> Objektträger-fixiertes Material		
Tag der Probennahme	<input type="text" value=""/>	Uhrzeit der Probennahme
	<input type="text" value=""/>	<input type="text" value=""/>

Bitte wählen Sie die für Ihren Patienten/ Ihre Patientin gewünschten Sonden/Sondenkombinationen aus.

Akute Myeloische Leukämie (AML)

- Diagnostisches AML-Panel (RUNX1T1::RUNX1 t(8;21)(q22;q22), BCR::ABL1 t(9;22)(q34;q11.2), PML::RARA t(15;17)(q24.1;q21.1), CBFβ::MYH11 inv(16)(p13q22)/t(16;16)(p13;q22))
- Prognostisches AML-Panel (RPN1::MECOM t(3;3)(q21.3;q26.2)/inv(3)(q21.3q26.2), EGR1/RPS14 Deletion 5q/Monosomie 5, DEK::NUP214 t(6;9)(p22;q34), KMT2E/D7S522/MET Deletion 7q/Monosomie 7, KMT2A(MLL)::MLLT3(AF9) t(9;11)(p21.3;q23.3), KMT2A(MLL) t(11q23), TP53/ATM Deletion 17p13/i(17q))
- BCR::ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- CBFβ::MYH11 inv(16)(p13q22)/t(16;16)(p13;q22)
- D20S108 (20q12), RH74808 (20q13.3), D8Z2 (Deletion 20q, Trisomie 8)
- DEK::NUP214 t(6;9)(p22;q34)
- EGR1 (5q31), RPS14 (5q33) mit Kontrolle in 5p15 (Deletion 5q/Monosomie 5)
- KMT2A(MLL) t(11q23)
- KMT2A(MLL)::AFDN(MLLT4) t(6;11)(q27;q23.3)
- KMT2A(MLL)::MLLT3(AF9) t(9;11)(p21.3;q23.3)
- KMT2A(MLL)::MLLT1(ENL) t(11;19)(q23.3;p13.3)
- KMT2E (7q22), D7S522/MET (7q31.2) mit Kontrolle D7Z1 (Deletion 7q/Monosomie 7)
- NUP98 t(11p15.4)
- PML::RARA t(15;17)(q24.1;q21.1)
- RPN1::MECOM t(3;3)(q21.3;q26.2)/inv(3)(q21.3q26.2)
- RUNX1T1::RUNX1 t(8;21)(q22;q22)
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p13/11q22)
- Andere: _____

Myelodysplastisches Syndrom (MDS)

Nach derzeitigem Wissensstand wird bei MDS eine Chromosomenanalyse als sinnvoll und zielführend erachtet, da sich durch diese Analyse alle wichtigen prognostischen chromosomalen Veränderungen nachweisen lassen. Daher wird eine FISH nur bei nicht klonalen Veränderungen und/oder eingeschränkt auswertbarer Mitosezahl durchgeführt.

- Komplettes MDS-Panel (RPN1::MECOM t(3;3)(q21.3;q26.2)/inv(3)(q26.2), EGR1/RPS14 Deletion 5q/Monosomie 5, KMT2E/D7S522/MET Deletion 7q/Monosomie 7, D20S108/D8Z2 Deletion 20q/Trisomie 8, TP53/ATM Deletion 17p13/i(17q))
- D20S108 (20q12), RH74808 (20q13.3), D8Z2 (Deletion 20q, Trisomie 8)
- EGR1 (5q31), RPS14 (5q33) mit Kontrolle in 5p15 (Deletion 5q/Monosomie 5)
- KMT2E (7q22), D7S522/MET (7q31.2) mit Kontrolle D7Z1 (Deletion 7q/Monosomie 7)
- RPN1::MECOM t(3;3)(q21.3;q26.2)/inv(3)(q21.3q26.2)
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p13/i(17q), Deletion 11q22)
- Andere: _____

Myeloproliferative Neoplasien (MPN) / Chronisch Myelomonozytäre Leukämie (CMML) / Chronische Eosinophileukämie (CEL) / Hypereosinophiles Syndrom (HES)

- BCR::ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- ETV6::RUNX1 (Deletion 12p/ETV6-Rearrangement)
- D20S108 (20q12), RH74808 (20q13.3), D8Z2 (Deletion 20q, Trisomie 8)
- FGFR1 t(8p11)
- JAK2 t(9p24)
- KMT2E (7q22), D7S522/MET (7q31.2) mit Kontrolle D7Z1 (Deletion 7q/Monosomie 7)
- PCM1::JAK2 t(8;9)(p22;q24)
- PDGFRA/CHIC2/FIP1L1 (Deletion 4q12, FIP1L1::PDGFR-Rearrangement)
- PDGFRB t(5q32)
- TP53 (17p13) in Kombination mit ATM (11q22) (Deletion 17p13/i(17q), Deletion 11q22)
- Andere: _____

Chronisch Myeloische Leukämie (CML)

- BCR::ABL1 t(9;22)(q34;q11.2)
- TP53 (17p13.1) in Kombination mit ATM (11q22.3) (Deletion 17p/i(17q))
- Andere: _____

